

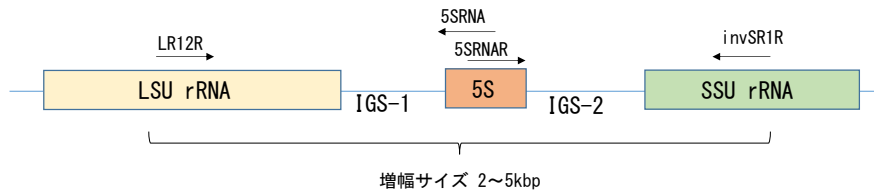
病名：真菌症
 病原体：真菌一般
 宿主：様々

区分	手法名 (文献)	プライマー		反応温度条件	増幅産物bp	備考	推奨度
		名称	配列 (5'-3')				
PCR	Vilgalys Lab	LR12R	GAACGCCTCTAAGTCAGAATCC	94 °C, 5分間 94 °C, 30秒→55 °C, 30秒→72 °C, 2~5分の30サイクル 72°C, 5分	約 2~5kbp	真菌類のrRNA遺伝子のIGS (intergenic spacer) を増幅するためのプライマー。増幅産物をシークエンスして同定。非常に変異が大きい領域。最初の同定用には使わない方が良い。株間の比較をするなどのように、より振り下げた研究に使用する。	-
		invSR1R	ACTGGCAGAATCAACCAGGTA				
		5SRNA	ATCAGACGGGATGCGGT	シーケンス用プライマー	通常のTaqでは増幅できない可能性があるため、2 kbp以上を増幅できる耐熱酵素を用いる方がよい。その酵素の合成速度に合わせた伸長時間とする。		
		5SRNAR	ACQGCATCCCGTCTGAT				

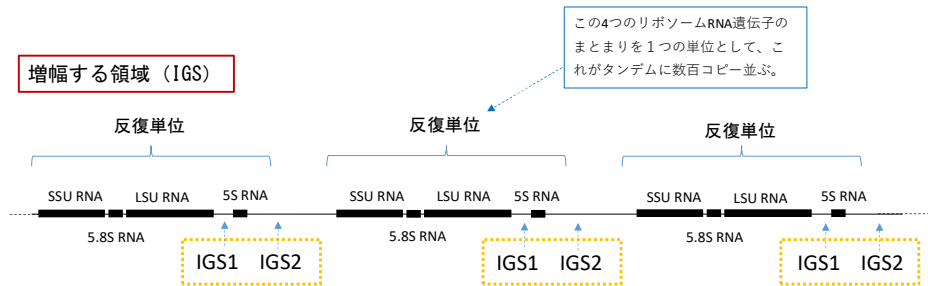
1) Vilgalys Mycology Lab https://sites.duke.edu/vilgalyslab/rdna_primers_for_fungi/

<http://home.psu.ac.th/~4823002/Molecular ITS.htm>

真菌のIGS領域増幅プライマー



https://sites.duke.edu/vilgalyslab/rdna_primers_for_fungi/



真菌におけるリボソームRNA遺伝子の構成。

真菌の核にコードされているリボソームRNA遺伝子 (rDNA) は、非常に類似したDNA配列 (通常は各8~12 kb) からなる複数コピーの遺伝子ファミリーが、単一の染色体上に存在する。各反復ユニットには、1つ以上の遺伝子間スペーサー (IGS) 領域で区切られた1つの主要な転写産物 (プライマリrRNA) のコーディング領域がある。

一部のグループ (主に担子菌およびいくつかの子囊菌酵母) では、各リピートに個別に転写される5S RNAのコーディング領域があり、その転写の位置と方向はグループ間で異なる場合がある。